

Accession	HMGA1 status	loc code 1	loc code	site code	stage code	IBRA code	HA/HB code	loc loc code	diff code	PSN code	node sampled	any node code	node no code	LVI code	Margit code	pathgene code	Chronic pancreatitis code	Tob code	BDOM code	De code	FUP time	Age	status (a-1,a-0)	IR	Sex code	adjutant code	any chemis code
006-1202	1	1	1	6,00	2	1	0	1	2	0,11	0	0	0	0	0	1	0	1	0	1	51	0	0	84	0		
002-20103	1	1	1	2,50	2	1	1	0	2	0,7	1	0	1	1	0	1	0	1	0	1	10	81	0	21	0		
006-00258	1	1	1	4,50	2	1	1	0	2	0,50	1	0	1	1	0	1	0	1	0	1	131	49	0	76	0		
001-07041	1	1	0	5,00	2	1	1	0	2	0,6	1	0	1	1	0	0	0	0	1	1	13	75	0	13	0		
005-25261	1	1	1	0,10	2	1	1	1	2	0,66	1	1	0	0	0	0	0	0	1	20	38	0	58	1			
001-00773	1	1	1	2,50	2	1	1	1	0	1,4	0	0	1	0	0	0	0	0	1	200	68	0	1	1	0		
000-25242	1	1	1	2,50	2	1	1	1	0	1,5	1	0	1	1	0	0	0	0	1	64	83	0	34	1	0	0	
002-00010	1	1	1	3,00	2	1	1	1	2	1,15	1	1	1	1	0	0	0	0	1	91	82	0	1	48	1		
001-00820	1	1	1	0,00	2	1	1	1	2	0,42	1	0	1	1	0	0	0	0	1	124	71	0	0	0	0		
005-00508	0	1	1	3,50	2	1	1	1	2	0,81	1	4	1	1	0	0	0	1	1	98	49	1	48	0	0	0	
002-11958	1	1	1	4,50	4	1	1	1	2	0,16	1	8	1	0	0	0	0	1	1	114	73	0	19	0	0	1	
004-00388	1	1	1	7,00	2	1	1	1	2	0,11	1	1	0	0	1	1	0	1	1	124	73	1	66	1	1	1	
002-00681	1	1	1	3,00	1	0	0	0	2	1,10	0	0	0	1	1	1	0	1	1	142	89	0	15	1	1		
000-22373	1	1	1	5,50	2	1	1	1	2	1,4	1	2	1	1	0	0	0	1	1	148	39	1	32	0	1	1	
002-10010	1	0	2	1,50	1	0	0	0	2	1,7	1	0	0	0	0	0	0	1	1	178	58	0	82	1	1		
006-10019	1	1	1	2,50	2	1	0	1	0	0,80	0	0	1	0	1	0	0	1	1	182	58	0	81	0	1	1	
001-14885	1	0	2	2,00	2	1	1	0	2	0,60	1	1	1	0	1	0	1	0	1	196	47	1	30	1			
000-00311	1	1	1	8,00	2	1	1	1	2	0,8	1	3	0	1	0	1	0	1	1	201	98	0	36	1			
001-14209	1	1	1	3,00	2	1	0	1	2	0,2	0	0	0	0	1	0	1	0	1	253	55	1	29	1	1	1	
004-21430	1	1	1	2,00	2	1	1	1	2	0,7	1	3	0	1	0	0	0	1	1	257	68	1	27	1	1	1	
002-13068	1	1	1	8,50	2	1	1	1	2	0,20	1	0	0	1	0	0	0	1	1	277	51	1	65	0	1	1	
002-07521	1	1	1	3,50	2	1	1	1	0	0,60	1	3	0	1	1	1	0	1	1	278	41	1	49	0	1	1	
004-02116	1	1	1	2,50	1	1	1	1	0	0,7	1	3	0	0	0	0	0	1	1	283	68	1	25	0	1	1	
000-24701	0	2	2	5,20	1	0	0	0	2	0,15	0	0	0	0	0	1	1	1	1	289	64	1	35	0	1	1	
011-06881	1	1	1	0,00	2	1	1	1	2	0,13	1	7	0	1	1	1	0	1	1	291	45	1	42	0	1	1	
002-11355	1	1	1	1,20	2	1	1	1	2	0,1	0	0	0	0	0	0	0	1	1	293	49	1	72	0	1	0	
009-06243	1	1	1	4,00	2	1	1	1	1	1,7	1	1	1	0	0	0	0	1	1	302	41	1	127	0	1	1	
001-28726	1	1	1	2,00	2	1	1	1	0	0,10	1	2	0	1	1	1	0	1	1	311	74	1	6	1	1	1	
001-01048	1	1	1	2,50	2	1	1	1	2	0,1	1	11	0	0	0	0	0	1	1	316	68	1	47	0	1	1	
009-28747	1	0	2	2,00	1	0	0	0	2	1,1	0	0	0	1	1	1	0	1	1	344	79	1	124	1	1	1	
001-21908	1	1	1	4,00	2	1	0	0	2	1,5	0	0	1	1	0	0	0	1	1	356	75	1	4	1			
000-00016	1	1	1	3,20	1	0	0	0	2	0,60	1	0	0	0	0	0	0	0	1	364	49	0	76	1			
002-27043	1	1	1	3,50	2	1	1	1	2	1,1	1	1	1	0	0	0	0	1	1	369	42	0	30	1			
002-11201	1	1	1	1,20	1	0	0	0	0	0,7	0	0	0	0	1	0	0	0	1	372	70	1	54	1	1	1	
002-00305	1	1	1	3,50	2	1	0	1	2	1,4	0	0	0	0	0	0	0	0	1	375	58	1	14	1			
006-02155	1	1	1	2,00	2	1	1	1	0	1	1	2	1	0	0	0	1	0	1	377	47	1	77	0	1	1	
001-14281	1	1	1	2,00	2	1	1	1	2	1,2	1	1	1	0	0	0	0	0	1	379	58	1	80	1	1	1	
002-07398	1	1	1	3,00	2	1	1	1	2	0,22	1	6	0	1	0	0	0	1	1	386	78	1	45	0	1	1	
001-28037	1	1	1	2,50	2	1	1	1	2	1,12	1	4	1	0	0	0	0	0	1	385	71	1	33	0	1	1	
002-24506	1	1	1	3,00	2	1	0	0	2	0,9	1	1	0	0	1	0	0	1	1	385	44	1	74	1	1	1	
000-07099	1	1	1	3,00	2	1	1	1	2	0,11	1	4	0	1	0	0	0	1	1	389	78	1	68	1	1	1	
006-26455	1	1	1	4,50	2	1	0	1	3	1,16	0	0	0	1	0	0	0	1	1	418	78	1	90	1	1	1	
006-21118	1	1	1	3,50	2	1	0	1	2	1,5	0	0	0	1	0	0	0	1	1	431	72	1	86	1	0	0	
009-11818	1	1	1	4,50	2	1	1	1	2	0,1	1	3	1	0	0	0	0	1	1	456	46	1	121	0	1	1	
002-07336	1	1	1	1,80	2	1	1	1	1	0,15	1	1	1	0	1	1	0	0	1	475	62	1	16	1	1	1	
001-13065	1	1	1	1,00	2	1	1	1	1	1,2	1	2	1	0	0	0	0	1	1	483	61	1	1	0	1	1	
001-00528	1	1	1	5,50	2	1	1	1	0	2,14	1	0	1	0	0	0	0	1	1	498	56	1	12	0	1	1	
009-06430	1	1	1	0,00	2	1	1	1	3	0,66	1	1	1	0	0	0	0	1	1	501	82	1	128	0	1	1	
004-02132	1	1	1	1,50	2	1	1	1	2	0,7	1	3	0	0	0	0	0	0	1	509	84	1	4	0	1	1	
003-25448	1	1	1	1,80	2	1	1	1	2	1,13	1	4	0	0	1	1	0	0	1	529	65	1	60	1	1	1	
001-15384	1	1	1	1,40	2	1	0	0	3	1,14	0	0	0	0	0	0	0	0	1	569	65	0	11	1	1	1	
000-00055	1	1	1	2,50	2	1	1	1	2	1,8	1	0	1	0	0	0	0	1	1	572	69	1	125	0	1	1	
001-28026	1	1	1	3,00	2	1	1	1	0	0,81	1	1	1	1	0	0	0	0	1	584	72	1	9	1	1	1	
009-21788	1	1	1	1,70	2	1	0	1	2	0,51	0	0	0	0	1	0	0	0	1	637	71	1	120	0	1	1	
002-11784	1	1	1	2,50	2	1	1	1	2	1,1	1	4	1	0	0	0	0	1	1	688	66	1	72	0	1	1	
001-11664	1	1	1	2,00	2	1	0	0	2	1,12	0	0	0	1	0	0	0	0	1	672	34	1	27	1	1	1	
003-00527	1	1	1	2,00	2	1	0	1	2	1,9	0	0	0	1	1	0	0	1	1	705	49	1	37	0	1	1	
006-25201	1	1	1	2,00	2	1	1	1	2	1,1	1	2	0	0	0	0	0	1	1	708	75	1	87	0	1	1	
009-22192	1	1	1	2,50	2	1	1	1	0	0,80	1	3	1	1	1	0	0	0	1	742	63	1	123	0	1	1	
009-06019	1	1	1	0,70	2	1	0	1	2	1,3	0	0	1	0	1	0	0	0	1	744	62	1	126	1	1	1	
000-00809	1	1	1	2,50	2	1	1	1	2	0,7	1	3	0	0	1	0	0	1	1	756	96	0	76	1	1	1	
002-27988	1	1	1	2,50	4	1	1	1	0	0,11	1	2	0	0	0	0	0	0	1	765	54	1	55	0	0	1	
004-00119	1	1	1	2,30	1	0	0	0	2	0,66	0	0	0	0	0	0	0	0	1	782	88	1	86	1			
009-12241	1	1	1	2,50	2	1	1	1	2	1,39	1	3	0	0	1	0	0	1	1	815	51	1	105	1	1	1	
009-24232	1	1	1	1,70	2	1	0	1	0	0,4	0	0	1	1	1	0	0	0	1	843	82	1	122	0	1	1	
001-11385	1	1	1	0,00	2	1	1	1	2	1,14	1	3	0	1	1	0	0	0	1	868	62	1	0	0	1	1	
002-27985	1	1	1	2,50	2	1	0	1	2	0,45																	